

A.

Bai.Dog.1 1 GTTTGTAGCTCAA TCAATACTAGGTGTTTCTGTGCTGTGGCCTAATTCCTCA--TTGCTT-CTGCTTAGCTCTATTTGATATGTTGGCAATTCATTCTGAGCACCCCTGCGTTCTTT 116
Bai.Hum.1 1 GTTTGTAGCTCAA TCAATACTAGGTGTTTCTGTGCTGTGGCCTAATTCCTCA--TTGCTT-CTGCTTAGCTCTATTTGATATGTTGGCAATTCATTCTGAGCACCCCTGCGTTCTTT 116
Bai.Rat.1 1 GTTTGTAGCTCAA TCAATACTAGGTGTTTCTGTGCTGTGGCCTAATTCCTCA--TTGCTT-CTGCTTAGCTCTATTTGATATGTTGGCAATTCATTCTGAGCACCCCTGCGTTCTTT 116
Bai.Mou.1 1 GTTTGTAGCTCAA TCAATACTAGGTGTTTCTGTGCTGTGGCCTAATTCCTCA--TTGCTT-CTGCTTAGCTCTATTTGATATGTTGGCAATTCATTCTGAGCACCCCTGCGTTCTTT 116
Bai.Chi.1 1 GTTTGTAGCTAAA TCAATACTAGGTGTTTCTGTGCTGTGGCCTAATTCCTCA--TTGCTT-CTGCTTAGCTCTATTTGATATGTTGGCAATTCATTCTGAGCACCCCTGCGTTCTTT 119
consensus 1 GTTTGTAGCTcAA TCAATAcTAGGTGTTTcTGTGCTGTGGCCTaATTcCTCA TTGC TT CtGCTTaGCTcTaTtTTGaTATGTttgGCAATTCATTcTgAGCACCCCTGCGTtCttT 120

Rik.Rat.3 1 GTAAATTTGCATGCTTTTAAATCACTT---CTTTCAATTC-CTTTT-AATTAAAA--TGAGGCTATTAAATACATCTGTTTCTGCTTCTGCACT-TTTTCAGTCTCCTTTGACATT 111
Rik.Mou.3 1 GTAAATTTGCATGCTTTTAAATCACTT---CTTTCAATTC-CTTTT-AATTAAAA--TGATGCTATTAAATACATCTGTTTCTGCTTCTGCACT-TTTTCAATCTCCTTTGACATT 112
Rik.Hum.3 1 GTAAATTTGCATGCTTTTAAATCACTT---CTTTCAATTC-CTTTT-AATTAAAA--TGATGCTATTAAATACATCTATTTCTATCTTCTGCACT-TTTTCAGTCTTCTTTGACATT 116
Rik.Dog.3 1 GTAAATTTGCATGCTTTTAAATCACTT---CTTTCAATTC-CTTTT-AATTAAAA--TGATGCTATTAAATACATCT---CTATCTTCTGCACT-TTTTCAGT-TTCCTTTGACATT 113
Rik.Chi.3 1 GTAAATCTGCATGCTTTGTTTCATCT---CTTT-----CTAAT--ATTAAAGTGC AAGGCTATGAATAAC-CT---TAAGTCT-CAATGTTTTCAGT-TTCCTTTT-AGAGA 98
consensus 1 GTAAATtTGCATGCTTTgTaaTCAcTt CTTT atttt CtTT aATTAAAA tGAtGCTATtAAAtACatCTgtttcTatCTTCTgCAcT TTTtCagTcTtCtTTTgAcAtt 120

Acv.Rat.2 1 GTTCTGAAACTCTGCATGAATATTA CTTTCTCTAATGATGCTT--GTTTGAAGTGTGTT TTTTAACTGA-TATATAATGC-GTTCT--TTCAcAGTAGCTTGTCTAATGCTGCTAGAA 114
Acv.Mou.2 1 GTTTGTAAACTCTGCATGATATTTATCTTTCTCTAATGATGCTT--GTTTGCATATGTT TTTTAACTGA-TATATAATGC-ACTCT--TTCATAGTAGCTTGTCTAATGCTGCTAGAG 113
Acv.Dog.2 1 GTTTGTAAACTCTGCATGAATATTTATCTTTCTCTAATGA-GCTTTGTTTTGCAT-TGTTTGT-AACTGA-TGTATAATGC-TTTTCTTTGATAGTAGCTTGTCTAATTACTGTAGGG 115
Acv.Hum.2 1 GTTTGTAAACTCTGCATGAATATTTATCTTTCTCTAATGA-GCTTTGTTTTGCATATGTT TTTTAACTGA-TGTATAATGC-TTTTCTTTTATAGTAGCTTGTCTAATTAATCTAGAG 116
Acv.Chi.2 1 GTTTGTAAACTCTGCATGATATTTATCTTTCTCTAAT-ATGCTTTTGTCTCAC-AGTTGTT-AAATGAGTCTTTTCTTACCTTTTCTTACACTCTGCTCTCTAGTAGTtTCTAAT 117
consensus 1 GTTtGTAAAcTCTGCATGaATATTAAtCTTTCTCTAATgAtGcTtT GtTtTgcatatGTT ttt AAcTGA TaTaTaaTgC ttTcTctTtcAtagTaGCTTgtcTAAAtgctGCTAgag 120

B.

Baiapl 1 GTTTGTAGCTcAA-TCAATAcTAGGTGTTTcTGTGCTGTGGCCTaATTcCTCA--TTGCTT-CtGCTTaGCTcTaTtTTGaTATGTttgGCAATTCATTcTgAGCACCCCTGCGTtCttT 120
(MAGI-1)
6530407C02Rik 1 GTAAATtTGCATGCTTTgTaaTCAcTt---CTTT-atTTT-CTTTT-aATTAAAA--tGAtGCTATtAAAtACatCTgtttcTatCTTCTgCAcT-TTTTcAGTcTtCtTTTgAcAtt 120
(MAGI-3)
Avricp1 1 GTTtGTAAAcTCTGCATGaaATATTAAtCTTTCTCTAATgAtGcTtT-GtTtTgcatatGTT ttt-AAcTGA-TaTaTaaTgC-ttTcTctTtcAtagTaGCTTgtcTAAAtgctGCTAgag 120
(MAGI-2)